

**November  
2019**



# **INSTAND**

**Begleitheft/ Manual**

**Informationen zur Testdurchführung  
Bakterien- und Pilzgenom- Nachweis**

**Manual of Qualification Control Testing  
of Bacterial Fungal Genome Detection**



## **Ringversuche Online System Ergebniseingabe**

Die Eingabe der Ringversuchsergebnisse erfolgt **ausschließlich**  
im INSTAND RV-Online System.

Bitte benutzen Sie für die Ergebniseingabe folgenden Zugang  
**(<https://rv-online.instandev.de/>)**.

Das ist derselbe Zugang, den Sie bereits für Ihre Ringversuchsanmeldung bei  
INSTAND e. V. verwenden.

Bei Fragen zum Gebrauch des INSTAND RV-Online Systems wenden Sie sich bitte direkt an:

INSTAND e. V.  
Tel: 0211-1592130

## **EQAS Online system result entry**

Please enter your results in the INSTAND EQAS Online system using the link:  
**(<http://rv-online.instandev.de/en>) =>"EQAS Online" =>"Ordering online and entering results"**

This is the entry that you already use for your EQAS registration with INSTAND e. V.

In case of questions regarding the EQAS Online system, please contact:

INSTAND e. V.  
Phone: +49 (0)211-1592130

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* (RV 530)

#### *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* - Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)

#### Information zur Testdurchführung und Code-Nummern (2 Seiten)



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *C. trachomatis* und *N. gonorrhoeae*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

Anmerkung: bei kommerziellen Testsystemen können 100 µl-Aliquots der Ringversuchsproben wie das Pellet zentrifugierter Urinproben abgearbeitet oder mit sterilem Wasser auf das erforderliche Mindestprobenvolumen des entsprechenden Testsystems aufgefüllt werden.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *C. trachomatis* und *N. gonorrhoeae* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

**Bitte füllen Sie die Ergebnisse sowie die Angaben zur Amplifikation, Detektion usw. nur bei den pathogenen Erregern aus, die Sie untersucht haben.**

**Es erfolgt eine Zertifizierung pro befundetem Erreger bzw. Spezies.**

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* (RV 530)

#### Detection of *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)

#### Instructions for testing and Code numbers (2 pages)



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *C. trachomatis* & *N. gonorrhoeae*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

Note: when using commercial assay systems, 100 µl aliquots of the renaturated samples can be processed like the sediment of centrifuged urine specimens or filled up with sterile water to reach the minimal input volume requested by the workup scheme of some commercial assays.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *C. trachomatis* and *N. gonorrhoeae* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

**Please fill in the results and information concerning amplification, detection etc. only for the pathogens you have examined. The evaluation is performed for each identified pathogen or species.**

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

#### PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* (RV 530)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: GenProbe CT/NG    21: LightMix CT/NG (TIB Molbiol)  
22: Roche COBAS      23: Xpert CT/NG (Cepheid)  
24: BD ProbeTec      25: CT/NG (Hain Lifescience)  
26: Abbott RealTime CT/NG  
27: Anderes kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Bakteriell *rpoB* Gen  
54: Kryptisches 7,5 kb Plasmid      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse\*)

61: Positiv      63: Fraglich  
62: Negativ      64: Inhibition

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

#### PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* & *Neisseria gonorrhoeae* (RV 530)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: GenProbe CT/NG    21: LightMix CT/NG (TIB Molbiol)  
22: Roche COBAS      23: Xpert CT/NG (Cepheid)  
24: BD ProbeTec      25: CT/NG (Hain Lifescience)  
26: Abbott RealTime CT/NG  
27: Other commercial assay / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Bacterial *rpoB* gene  
54: Cryptic 7.5 kb plasmid      59: Other

#### Group [VI] (Results\*)

61: Positive      63: Questionable  
62: Negative      64: Inhibition

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* (RV 531)

***Chlamydia trachomatis*-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code-Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *C. trachomatis*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

Anmerkung: bei kommerziellen Testsystemen können 100 µl-Aliquots der Ringversuchsproben wie das Pellet zentrifugierter Urinproben abgearbeitet werden.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *C. trachomatis* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

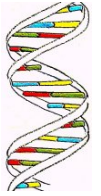
Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Chlamydia trachomatis* (RV 531)

**Detection of *Chlamydia trachomatis* by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *C. trachomatis*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

Note: when using commercial assay systems, 100 µl aliquots of the renatured samples can be processed like the sediment of centrifuged urine specimens.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *C. trachomatis* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *Chlamydia trachomatis* (531)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: CT (Hain Lifescience)    21: LightMix CT (TIB Molbiol)  
22: Roche COBAS CT      23: Xpert CT/NG Cepheid)  
24: BD ProbeTec    25: artus CT    26: Abbott CT/NG  
27: Anderes kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Bakteriell *rpoB* Gen  
54: Kryptisches 7,5 kb Plasmid      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *Chlamydia trachomatis* (531)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: CT (Hain Lifescience)    21: LightMix CT (TIB Molbiol)  
22: Roche COBAS CT      23: Xpert CT/NG Cepheid)  
24: BD ProbeTec    25: artus CT    26: Abbott CT/NG  
27: Other commercial assay / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Bacterial *rpoB* gene  
54: Cryptic 7.5 kb plasmid      59: Other\*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Bordetella pertussis* (RV 532)

***Bordetella pertussis* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code-Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen.

Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *B. pertussis*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *B. pertussis* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

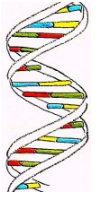
Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Bordetella pertussis* (RV 532)

**Detection of *Bordetella pertussis* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *B. pertussis*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *B. pertussis* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *Bordetella pertussis* (RV 532)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: LightMix BP Kit (TIB Molbiol)  
21: Diagenode *B. pertussis* (Mikrogen)  
22: *B. pertussis* / *parapertussis* PCR Kit (GeneProof)  
23: RIDAGENE Bordetella (r-Biopharm)  
24: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
27: Anderes kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Insertionssequenz *IS* 481  
54: Pertussis Toxin Gen      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: Positiv      63: Fraglich  
62: Negativ      64: Inhibition

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *Bordetella pertussis* (RV 532)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: LightMix BP kit (TIB Molbiol)  
21: Diagenode *B. pertussis* (Mikrogen)  
22: *B. pertussis* / *parapertussis* PCR kit (GeneProof)  
23: RIDAGENE Bordetella (r-Biopharm)  
24: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
27: Other commercial assay / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Insertion sequence *IS* 481  
54: Pertussis toxin gene      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: Positive      63: Questionable  
62: Negative      64: Inhibition

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Helicobacter pylori* (RV 533)

***Helicobacter pylori* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code-Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *H. pylori*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *H. pylori* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Helicobacter pylori* (RV 533)

**Detection of *Helicobacter pylori* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *H. pylori*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *H. pylori* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *Helicobacter pylori* (RV 533)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 7 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] sowie [VII] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: GenoType Helico (Hain)    21: ClariRes (Ingenetix)  
22: RIDAGENE H.pylori (r-Biopharm)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Urease Gen      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

#### Gruppe [VII] (Molekulare Resistenztestung)

71: Vermeintlich Clarithromycin-resistent  
72: Vermeintlich Clarithromycin-sensibel

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *Helicobacter pylori* (RV 533)

Code numbers are subdivided into seven groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V], and [VII], is voluntary.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: GenoType Helico (Hain)    21: ClariRes (Ingenetix)  
22: RIDAGENE H.pylori (r-Biopharm)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Urease gene      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

#### Group [VII] (Molecular susceptibility testing)

71: Presumably Clarithromycin-resistant  
72: Presumably Clarithromycin-susceptible

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT EHEC / STEC (RV 534)

#### EHEC / STEC DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure- Amplifikationstechniken (NAT)

#### Information zur Testdurchführung und Code-Nummern (2 Seiten)



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem EHEC/STEC-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von EHEC/STEC DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

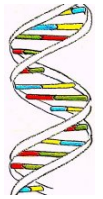
Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA EHEC / STEC (RV 534)

#### Detection of EHEC / STEC DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)

#### Instructions for testing and Code numbers (2 pages)



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and EHEC/STEC-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of EHEC/STEC DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT EHEC / STEC (RV 534)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 7 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] sowie [VII] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: GenoType EHEC (Hain Lifescience)  
21: hyplex EHEC      22: RIDAGENE (r-iopharm)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Shiga-Toxin Gene (*stx*<sub>1</sub>, *stx*<sub>2</sub>)      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

#### Gruppe [VII] (Molekulare Subtypisierung)

71: *stx*<sub>1</sub>  
72: *stx*<sub>2</sub>    73: *stx*<sub>2c</sub>    74: *stx*<sub>2d</sub>    75: *stx*<sub>2e</sub>    76: *stx*<sub>2f</sub>  
77: *eae*    78: E-*hly* (*hlyA*)      79: Andere \*\*

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA EHEC / STEC (RV 534)

Code numbers are subdivided into seven groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V], and [VII], is voluntary.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: GenoType EHEC (Hain Lifescience)  
21: hyplex EHEC      22: RIDAGENE (r-Biopharm)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Shiga toxin genes (*stx*<sub>1</sub>, *stx*<sub>2</sub>)      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

#### Group [VII] (Molecular subtyping)

71: *stx*<sub>1</sub>  
72: *stx*<sub>2</sub>    73: *stx*<sub>2c</sub>    74: *stx*<sub>2d</sub>    75: *stx*<sub>2e</sub>    76: *stx*<sub>2f</sub>  
77: *eae*    78: E-*hly* (*hlyA*)      79: Other \*\*

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Borrelia burgdorferi* (RV 535)

***Borrelia burgdorferi* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen.

Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *B. burgdorferi*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *B. burgdorferi* sensu lato DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

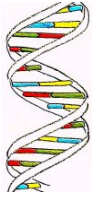
Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Borrelia burgdorferi* (RV 535)

**Detection of *Borrelia burgdorferi* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *B. burgdorferi*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *B. burgdorferi* sensu lato DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT *Borrelia burgdorferi* (535)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: artus *Borrelia* LC kit (Qiagen)  
21: B. burgdorferi PCR Kit (Gene Proof)  
22: LightMix Kit Borrelia (TIB Molbiol)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *OspA* Gen  
54: *Fla* Gen  
55: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA *Borrelia burgdorferi* (535)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: artus *Borrelia* LC kit (Qiagen)  
21: B. burgdorferi PCR kit (Gene Proof)  
22: LightMix kit Borrelia (TIB Molbiol)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *OspA* gene  
54: *Fla* gene  
55: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Legionella pneumophila* (RV 536)

***Legionella pneumophila* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen.

Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *L. pneumophila*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *L. pneumophila* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Legionella pneumophila* (RV 536)

**Detection of *Legionella pneumophila* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *L. pneumophila*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *L. pneumophila* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *Legionella pneumophila* (536)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: LightMix Kit Legionella (TIB Molbiol)  
21: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
22: RIDAGENE Legionella Kit (r-Biopharm)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *mip* Gen  
54: *omp* Gen  
55: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *Legionella pneumophila* (536)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: LightMix kit Legionella (TIB Molbiol)  
21: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
22: RIDAGENE Legionella kit (r-Biopharm)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *mip* gene  
54: *omp* gene  
55: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Salmonella enterica* (RV 537)

***Salmonella enterica* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**

#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen.

Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Anreicherungskultur oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *Salmonella enterica*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist primär auf die Bestimmung von *Salmonella enterica* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Auch der Einsatz von RNA-gestützten Nachweisverfahren sollte möglich sein. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *S. enterica* bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Serovaren möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.



## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Salmonella enterica* (RV 537)

**Detection of *Salmonella enterica* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**

#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as enrichment broths or native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *Salmonella enterica*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Salmonella enterica* DNA in the sample material. RNA should be detectable as well. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *S. enterica* is requested, you are free to report the corresponding serovars and/or to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT *Salmonella enterica* (537)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: RIDAGENE Bacterial Stool Panel (r-Biopharm)  
21: foodproof *Salmonella* Kit (Biotecon)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *himA* Gen    54: *gyrB* Gen    55: *invA* Gen  
56: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: Positiv                      63: Fraglich  
62: Negativ                    64: Inhibition

**optional:** Mitteilung von Serovaren

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA *Salmonella enterica* (537)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: RIDAGENE Bacterial Stool Panel (r-Biopharm)  
21: foodproof *Salmonella* kit (Biotecon)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *himA* gene    54: *gyrB* gene    55: *invA* gene  
56: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: Positive                      63: Questionable  
62: Negative                    64: Inhibition

**optional:** Specification of serovars

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Listeria spp.* (RV 538)

***Listeria spp.* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Anreicherungskultur oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *Listeria spp.*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Listeria spp.* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

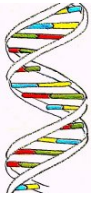
Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *Listeria spp.* bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Speziesnamen möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Listeria spp.* (RV 538)

**Detection of *Listeria spp.* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *Listeria spp.* - PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Listeria spp.* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *Listeria spp.* is requested, you are free to report the corresponding species names and/or to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT *Listeria spp.* (538)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: AmpliGnost *L. monocytogenes*  
21: LightMix Kit *L. monocytogenes* (TIB Molbiol)  
22: BactoReal *L. monocytogenes* (Ingenetix)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *iap* Gen      54: *flaA* Gen  
55: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: Positiv      63: Fraglich  
62: Negativ      64: Inhibition

optional: 71: *L. monocytogenes*      72: *L. ivanovii*  
73: *L. seeligeri*      74: *L. innocua*  
75: *L. welshimeri*      76: *L. grayi*

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA *Listeria spp.* (538)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: AmpliGnost *L. monocytogenes*  
21: LightMix kit *L. monocytogenes* (TIB Molbiol)  
22: BactoReal *L. monocytogenes* (Ingenetix)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *iap* gene      54: *flaA* gene  
55: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: Positive      63: Questionable  
62: Negative      64: Inhibition

optional: 71: *L. monocytogenes*      72: *L. ivanovii*  
73: *L. seeligeri*      74: *L. innocua*  
75: *L. welshimeri*      76: *L. grayi*

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT MRSA / cMRSA (RV 539)

**MRSA bzw. cMRSA DNA-Direktnachweis**  
mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-  
Amplifikationstechniken (NAT)

**Information zur Testdurchführung  
und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Anreicherungskultur oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem MRSA / PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

**Anm:** PVL-positive MRSA werden als **cMRSA** bezeichnet.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von MRSA und/oder cMRSA DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für MRSA bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Speziesnamen bzw. des Nachweises des **lukFS Gens** (cMRSA) [Code 71] möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA MRSA / CA-MRSA (RV 539)

**Direct detection of MRSA / CA-MRSA DNA**  
by PCR or other procedures for nucleic  
acid amplification & detection (NAA)

**Instructions for testing and  
Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing.

When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and MRSA / CA-MRSA PCR/NAA assays established in your routine diagnostic setting. **Note:** PVL-(Panton-Valentine leukocidin) positive MRSA isolates are termed **CA-**(community acquired-) **MRSA**.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of MRSA and/or CA-MRSA DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of MRSA is requested, you are free to report the corresponding species names and/or the presence of the *lukFS* gene (CA-MRSA) [Code 71] in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT MRSA / cMRSA (539)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: BD MAX / BD GeneOhm MRSA (Becton Dickinson)  
21: FluoroType / GenoType MRSA (Hain Lifescience)  
22: RIDAGENE MRSA (r-Biopharm)  
23: Xpert MRSA / GeneXpert (Cepheid)  
24: LightCycler / Cobas MRSA (Roche)  
25: LightMix MRSA (TIB Molbiol)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: SCCmec Kassette      54: pSA 422  
55: mecA Gen      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

optional: 71: PVL (*lukFS*) pos.      72: *S. aureus*  
73: *S. epidermidis*      74: *S. haemolyticus*  
75: *S. hominis*      76: CoNS

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA MRSA / CA-MRSA (539)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: BD MAX / BD GeneOhm MRSA (Becton Dickinson)  
21: FluoroType / GenoType MRSA (Hain Lifescience)  
22: RIDAGENE MRSA (r-Biopharm)  
23: Xpert MRSA / GeneXpert (Cepheid)  
24: LightCycler / Cobas MRSA (Roche)  
25: LightMix MRSA (TIB Molbiol)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: SCCmec *cassette*      54: pSA 422  
55: mecA gene      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

optional: 71: PVL (*lukFS*) pos.      72: *S. aureus*  
73: *S. epidermidis*      74: *S. haemolyticus*  
75: *S. hominis*      76: CoNS

23 / 41 \*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Chlamydia pneumoniae* (RV 540)

***C. pneumoniae* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### **Vorsichtsmaßnahmen**

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### **Probenvorbereitung**

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern.

Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **1000 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind entsprechende Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *Chlamydia pneumoniae*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### **Testdurchführung und Ergebnisinterpretation**

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Chlamydia pneumoniae* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *C. pneumoniae* bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Speziesnamen möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Chlamydia pneumoniae* (RV 540)

**Detection of *C. pneumoniae* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### **Precautions**

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### **Specimen preparation**

Samples should be stored at 4°C upon receipt.

The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **1000 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and corresponding aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *Chlamydia pneumoniae*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### **Testing and reporting of results**

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Chlamydia pneumoniae* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *C. pneumoniae* is requested, you are free to report the corresponding species names and/or to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT *Chl. pneumoniae* (540)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

21: LightMix Kit *C. pneumoniae* (TIB Molbiol)  
22: Diagenode *Mycopl. / Chl. pneumoniae* (Mikrogen)  
23: AmpliGnost *C. pneumoniae* PCR Kit  
24: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *PstI* Fragment  
55: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA *Chl. pneumoniae* (540)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

21: LightMix kit *C. pneumoniae* (TIB Molbiol)  
22: Diagenode *Mycopl./Chl. pneumoniae* (Mikrogen)  
23: AmpliGnost *C. pneumoniae* PCR kit  
24: Community acquired pneumonia bacteria (AID)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *PstI* fragment  
55: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Mycoplasma pneumoniae* (RV 541)

***M. pneumoniae* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind entsprechende Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *M. pneumoniae*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Mycoplasma pneumoniae* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

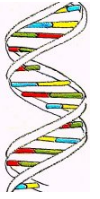
Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *M. pneumoniae* bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Speziesnamen möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Mycoplasma pneumoniae* (RV 541)

**Detection of *M. pneumoniae* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and corresponding aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *M. pneumoniae*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Mycoplasma pneumoniae* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *M. pneumoniae* is requested, you are free to report the corresponding species names and/or to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

**CODE-Nummern  
PCR-/NAT *M. pneumoniae* (541)**

**CODE Numbers  
PCR-/NAA *M. pneumoniae* (541)**

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

**Gruppe [I] (DNA Extraktion)**

- 11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen
- 12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*
- 13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

**Gruppe [II] (Amplifikation)**

- 20: LightMix Kit *M. pneumoniae* (TIB Molbiol)
- 21: Community acquired pneumonia bacteria (AID)
- 22: Venor Mp (Minerva Biolabs)
- 23: AmpliGnost *M. pneumoniae* PCR Kit
- 24: Diagenode *Mycopl. / Chl. pneumoniae* (Mikrogen)
- 25: RIDAGENE *M. pneumoniae* (r-Biopharm)
- 26: *M. pneumoniae* PCR Kit (GeneProof)
- 27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*
- 28: *In house* PCR Protokoll

**Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)**

- 31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)
- 32: Agarosegel Elektrophorese
- 33: Hybridisierung mit markierten Sonden
- 34: Nested PCR
- 35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)
- 36: Real-Time PCR (LightCycler)
- 37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

**Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)**

- 41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)
- 42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)
- 43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)
- 44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers
- 48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

**Gruppe [V] (Zielsequenz)**

- 51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)
- 52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)
- 53: ATPase operon Gen    54: P1 adhesin gene
- 55: Ribosomale ITS Region      59: Andere \*\*

**Gruppe [VI] (Ergebnisse)**

- 61: **Positiv**                      63: **Fraglich**
- 62: **Negativ**                    64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

**Group [I] (Sample preparation)**

- 11: Proteinase K / spin column
- 12: Commercial DNA extraction kit \*\*
- 13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

**Group [II] (Amplification)**

- 20: LightMix kit *M. pneumoniae* (TIB Molbiol)
- 21: Community acquired pneumonia bacteria (AID)
- 22: Venor Mp (Minerva Biolabs)
- 23: AmpliGnost *M. pneumoniae* PCR kit
- 24: Diagenode *Mycopl./Chl. pneumoniae* (Mikrogen)
- 25: RIDAGENE *M. pneumoniae* (r-Biopharm)
- 26: *M. pneumoniae* PCR kit (GeneProof)
- 27: Commercial assay system / kit \*\*
- 28: *In house* PCR assay

**Group [III] (Detection / identification)**

- 31: Commercial assay system (codes 20-27)
- 32: Agarose gel electrophoresis
- 33: Hybridization with labelled probe
- 34: Nested PCR
- 35: Real-Time PCR (TaqMan format)
- 36: Real-Time PCR (LightCycler)
- 37: DNA sequencing      39: Other \*\*

**Group [IV] (Positive and/or inhibition control)**

- 41: Commercial assay system (codes 20-27)
- 42: Internal control (recombinant plasmid etc.)
- 43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)
- 44: Genomic DNA of the corresponding pathogen
- 48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

**Group [V] (Target gene)**

- 51: Commercial assay system (codes 20-27)
- 52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)
- 53: ATPase operon gene    54: P1 adhesin gene
- 55: Ribosomal ITS region      59: Other \*\*

**Group [VI] (Results)**

- 61: **Positive**                      63: **Questionable**
- 62: **Negative**                    64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Coxiella burnetii* & *Bacillus anthracis* (RV 542)

***C. burnetii* und *B. anthracis* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

**Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)**



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind entsprechende Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *C. burnetii*- bzw. *B. anthracis*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Coxiella burnetii* und *B. anthracis* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *C. burnetii* und *B. anthracis* bewertet werden, ist natürlich auch eine zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld möglich. Dies ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

**Bitte füllen Sie die Ergebnisse sowie die Angaben zur Amplifikation, Detektion usw. nur bei den pathogenen Erregern aus, die Sie untersucht haben.**

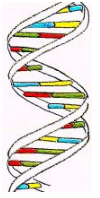
**Es erfolgt eine Zertifizierung pro befundetem Erreger bzw. Spezies.**

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Coxiella burnetii* & *Bacillus anthracis* (RV 542)

**Detection of *C. burnetii* and *B. anthracis* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

**Instructions for testing and Code numbers (2 pages)**



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and corresponding aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *C. burnetii*- and/or *B. anthracis*-PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Coxiella burnetii* & *B. anthracis* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *Coxiella burnetii* and *B. anthracis* is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

**Please fill in the results and information concerning amplification, detection etc. only for the pathogens you have examined. The evaluation is performed for each identified pathogen or species.**

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *C. burnetii* / *B. anthracis* (542)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: LightMix Kit *Coxiella burnetii* (TIB Molbiol)  
21: LightMix Kit *Bacillus anthracis* (TIB Molbiol)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Transposase Gen (IS1111)      54: COM-1 Gen  
55: rpoB Gen      56: pX01      57: pX02      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: Positiv      63: Fraglich  
62: Negativ      64: Inhibition

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *C. burnetii* / *B. anthracis* (542)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: LightMix kit *Coxiella burnetii* (TIB Molbiol)  
21: LightMix kit *Bacillus anthracis* (TIB Molbiol)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Transposase gene (IS1111)      54: COM-1 gene  
55: rpoB gene      56: pX01      57: pX02      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: Positive      63: Questionable  
62: Negative      64: Inhibition

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Francisella tularensis* & *Brucella spp.* (RV 543)

***F. tularensis* und *Brucella spp.* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)**

#### Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)

#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind entsprechende Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und den speziesspezifischen PCR/NAT Nachweisverfahren zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Francisella tularensis* und *Brucella spp.* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *F. tularensis* und *Brucella spp.* bewertet werden, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe von Speziesnamen möglich. Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

**Bitte füllen Sie die Ergebnisse sowie die Angaben zur Amplifikation, Detektion usw. nur bei den pathogenen Erregern aus, die Sie untersucht haben.**

**Es erfolgt eine Zertifizierung pro befundetem Erreger bzw. Spezies.**

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Francisella tularensis* & *Brucella spp.* (RV 543)

**Detection of *F. tularensis* and *Brucella spp.* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)**

#### Instructions for testing and Code numbers (2 pages)

#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and corresponding aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *specific* PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *Francisella tularensis* and *Brucella spp.* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like  $\beta$ -globin, etc.). Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of enrichment broths or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *F. tularensis* and *Brucella spp.* is requested, you are free to report the corresponding species names and/or to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

**Please fill in the results and information concerning amplification, detection etc. only for the pathogens you have examined. The evaluation is performed for each identified pathogen or species.**



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *F. tularensis* / *Brucella* spp. (543)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: LightMix Kit *Francisella tularensis* (TIB Molbiol)  
21: LightMix Kit *Brucella* Genus (TIB Molbiol)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomales Gen (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *tul4/lpnA* Gen      54: *fopA* Gen  
55: Transposase Gen (IS711)      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *F. tularensis* / *Brucella* spp. (543)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: LightMix kit *Francisella tularensis* (TIB Molbiol)  
21: LightMix kit *Brucella* Genus (TIB Molbiol)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: *tul4/lpnA* gene      54: *fopA* gene  
55: Transposase gene (IS711)      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT Carbapenemase-Gene (RV 544)

Molekulare Resistenztestung von Carbapenemase Genen bei Enterobacteriaceae mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)



Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)

#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Kulturaliquot oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem Carbapenemase-Gen PCR/NAT Nachweis zu untersuchen. **Anm:** Die DNA Mengen in den Ringversuchsproben sind geringer als beim direkten Einsatz einer ganzen Bakterienkolonie in die entsprechenden PCR Assays.

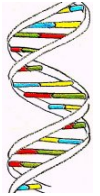
#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von Carbapenemase-Genen im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich. Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für "Carbapenemasen" bewertet wird, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe der jeweils nachgewiesenen Carbapenemase- Gene [Codes 71 - 79] möglich. Auch Kommentare sind für die genauere Analyse der Ringversuche hilfreich und stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA Carbapenemase genes (RV 544)

Detection of Carbapenemase-encoding genes in enterobacteriaceae by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)



Instructions for testing and Code numbers (2 pages)

#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as culture aliquots or native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and carbapenemase gene PCR/NAA assays established in your routine diagnostic setting. **Note:** The DNA content of the samples may be significantly lower compared to direct extraction or boiling a bacterial colony.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of DNA from bacterial carbapenemase genes in the samples. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to target organisms, thereby allowing inhibition controls targeting human genes like β-globin. Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of cultures or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Report Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of carbapenemase genes is requested, you are free to report the corresponding carbapenemase genes [codes 71 to 79] in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT Carbapenemasen (544)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 6 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: Check MDR Carba test (Fa. Checkpoints)  
21: Check Direct CPE *oder* MDR (Fa. Checkpoints)  
22: hplex Superbug (Amplex)  
23: eazyplex (Amplex)  
24: LightMix (TIB Molbiol)  
25: GeneXpert CarbaR (Cepheid)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

Gruppe [V] (Zielsequenz) - - hier nicht zutreffend

#### Gruppe [VI] (PCR-Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

#### Carbapenemase Gene nachgewiesen:

71: KPC      72: VIM      73: OXA-48 like  
74: GES Carbapenemase      75: NDM  
76: IMP      77: GIM  
79: Andere \*\*

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA Carbapenemases (544)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: Check MDR Carba test (Fa. Checkpoints)  
21: Check Direct CPE *or* MDR (Fa. Checkpoints)  
22: hplex Superbug (Amplex)  
23: eazyplex (Amplex)  
24: LightMix (TIB Molbiol)  
25: GeneXpert CarbaR (Cepheid)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

Group [V] (Target gene) - - not applicable

#### Group [VI] (PCR results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

#### Carbapenemase genes detected:

71: KPC      72: VIM      73: OXA-48 like  
74: GES carbapenemase      75: NDM  
76: IMP      77: GIM  
79: Other \*\*

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *C.difficile* Toxin-Gene (RV 545)

DNA-Nachweis von *Clostridium difficile* Toxin-Genen mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)

Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer <sup>spezifischen</sup> Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Kulturaliquot oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *Clostridium difficile* Toxin-Gen PCR/NAT Nachweis zu untersuchen. **Anm:** Die DNA Mengen in den Ringversuchsproben sind geringer als beim direkten Einsatz einer ganzen Bakterienkolonie in die entsprechenden PCR Assays.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *Clostridium difficile* Toxin-Genen im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für *C.difficile* Toxingene bewertet wird, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe der jeweils nachgewiesenen Toxin-Gene [Codes 71 - 79] möglich. Auch Kommentare sind für die genauere Analyse der Ringversuche hilfreich und stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *C.difficile* toxin genes (RV 545)

Detection of *Clostridium difficile* Toxin-encoding genes by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)

Instructions for testing and Code numbers (2 pages)



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as culture aliquots or native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *Clostridium difficile* toxin gene PCR/NAA assays established in your routine diagnostic setting. **Note:** The DNA content of the samples may be significantly lower compared to direct extraction or boiling a bacterial colony.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of DNA from *Clostridium difficile* toxin genes in the samples. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to target organisms, thereby allowing inhibition controls targeting human genes like β-globin. Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of cultures or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of *C. difficile* toxin genes is requested, you are free to report the corresponding toxin genes [codes 71 to 79] in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *C. difficile* Toxin Gene (RV 545)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 7 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [IV] sowie [VII] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter III und VII sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: XPert *C.difficile* (Cepheid)    21: BD MAX Cdiff (BD)  
22: RIDAGENE *C. difficile* (r-Biopharm)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: *C. difficile* Toxin Gene *tcdA/tcdB/tcdC*  
59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: Positiv      63: Fraglich  
62: Negativ      64: Inhibition

optional:71: *tcdA*      72: *tcdB*  
73: Binäres Toxin      74: *tcdC* (Wildtyp)  
75: *tcdC* $\Delta$ 117 (deletion)      79: Andere

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** aufführen)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *C. difficile* toxin genes (RV 545)

Code numbers are subdivided into seven groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V], and [VII], is voluntary.

Completing of group III and VII is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: XPert *C.difficile* (Cepheid)    21: BD MAX Cdiff (BD)  
22: RIDAGENE *C. difficile* (r-Biopharm)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: *C.difficile* toxin genes *tcdA/ tcdB/ tcdC*  
59: Other\*\*

#### Group [VI] (Results)

61: Positive      63: Questionable  
62: Negative      64: Inhibition

optional:71: *tcdA*      72: *tcdB*  
73: binary toxin      74: *tcdC* (wildtype)  
75: *tcdC* $\Delta$ 117 (deletion)      79: Other\*\*

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT VRE (Vancomycin resistente Enterokokken) (RV 546)

DNA-Nachweis von Vancomycin resistenten Enterokokken mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)

Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Kulturaliquot oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem VRE PCR/NAT Nachweis zu untersuchen. **Anm:** Die DNA Mengen in den Ringversuchsproben sind geringer als beim direkten Einsatz einer ganzen Bakterienkolonie in die entsprechenden PCR Assays.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

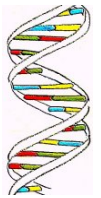
Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von Vancomycin Resistenz-vermittelnden Genen bei Enterokokken im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B.  $\beta$ -Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch wenn nur die Richtigkeit der Ergebnisse für „VRE“ bewertet wird, ist natürlich auch eine differenzierte Angabe der jeweils nachgewiesenen *van*-Gene [Codes 70 - 79] möglich. Auch Kommentare sind für die genauere Analyse der Ringversuche hilfreich und stets willkommen.

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA VRE (Vancomycin resistant enterococci) (RV 546)

Detection of vancomycin resistant *Enterococcus* spp. DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)  
Instructions for testing and Code numbers (2 pages)



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as culture aliquots or native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and VRE PCR/NAA assays established in your routine diagnostic setting. **Note:** The DNA content of the samples may be significantly lower compared to direct extraction or boiling a bacterial colony.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of vancomycin resistant *Enterococcus* spp. DNA from the samples. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to target organisms, thereby allowing inhibition controls targeting human genes like  $\beta$ -globin.

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of cultures or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers. Although only reporting of qualitative results for the presence or absence of VRE DNA is requested, you are free to report the corresponding *van*-genes [codes 70 to 79] in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT VRE (RV 546)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 7 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [IV] sowie [VII] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VII] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: XPert vanA/vanB (Cepheid)  
21: BD GeneOhm™ VanR (BD)  
22: GenoType *Enterococcus* (Hain Lifescience)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Van Gene (*vanA/B/C/D/E/G*)  
53: Van Gene + Enterokokken Speziesmarker \*\*  
59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

optional:71: *vanA*      72: *vanB*  
73: *vanC*      74: *vanD*  
79: Andere\*\*

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** aufführen)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA VRE (RV 546)

Code numbers are subdivided into seven groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V], and [VII], is voluntary.

Completing of group [II and VII] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: XPert vanA/vanB (Cepheid)  
21: BD GeneOhm™ VanR (BD)  
22: GenoType *Enterococcus* (Hain Lifescience)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Van genes (*vanA/B/C/D/E/G*)  
53: Van genes + *Enterococcus* species ID \*\*  
59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

optional:71: *vanA*      72: *vanB*  
73: *vanC*      74: *vanD*  
79: Other\*\*

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT Urogenital Panel (RV 547)

DNA-Nachweis von *Mycoplasma hominis*, *M. genitalium*, *Ureaplasma parvum*, *U. urealyticum*, *Trichomonas vaginalis*, *Gardnerella vaginalis* und *Treponema pallidum* mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)



#### Information zur Testdurchführung und Code Nummern (2 Seiten)

#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie eine Kulturaliquot oder natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und den jeweiligen PCR/NAT Nachweisverfahren zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von der o.g. Erreger im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben. Auch Kommentare sind für die genauere Analyse der Ringversuche hilfreich und stets willkommen.

**Bitte füllen Sie die Ergebnisse sowie die Angaben zur Amplifikation, Detektion usw. nur bei den pathogenen Erregern aus, die Sie untersucht haben.**

**Es erfolgt eine Zertifizierung pro befundetem Erreger bzw. Spezies.**

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA Urogenital Panel (RV 547)

Detection of *Mycoplasma hominis*, *M. genitalium*, *Ureaplasma parvum*, *U. urealyticum*, *Trichomonas vaginalis*, *Gardnerella vaginalis* and *Treponema pallidum* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)



#### Instructions for testing and Code numbers (2 pages)

#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as culture aliquots or native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and corresponding PCR/NAA assays established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of DNA from the pathogens mentioned above in the samples. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to target organisms, thereby allowing inhibition controls targeting human genes like β-globin. Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of cultures or routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form. Quantitative information is voluntary, but very helpful for the evaluation of this novel EQAS scheme.

**Please fill in the results and information concerning amplification, detection etc. only for the pathogens you have examined. The evaluation is performed for each identified pathogen or species.**



## BAKTERIENGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern PCR-/NAT Urogenital Panel (RV 547)

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [IV] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: Multiplex Kit (Kit Bezeichnung und Hersteller bitte angeben)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (Codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Erregerspezifische Zielsequenz / Gen \*\*  
59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** aufführen)

## BACTERIAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers PCR-/NAA Urogenital Panel (RV 547)

Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is voluntary.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: Multiplex kit (please specify kit type and vendor)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay system (codes 20-27)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR,      35: Real-Time PCR  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition control)

41: Commercial assay system (codes 20-27)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay system (codes 20-27)  
52: Ribosomal gene (16S rDNA, 23S rDNA)  
53: Pathogen-specific target gene\*\*  
59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)

## PILZGENOM-NACHWEIS

### PCR-/NAT *Pneumocystis jirovecii* (RV 560)

*Pneumocystis jirovecii* DNA-Nachweis mittels PCR oder anderen Nukleinsäure-Amplifikationstechniken (NAT)

Information zur Testdurchführung  
und Code-Nummern (2 Seiten)



#### Vorsichtsmaßnahmen

Die Probenmaterialien wurden einer speziellen Inaktivierungsmaßnahme unterzogen und sind daher **nicht** mehr als potentiell infektiös zu betrachten.

#### Probenvorbereitung

Die Proben sind nach Erhalt bei 4°C zu lagern. Als lyophilisiertes Untersuchungsmaterial sind die Proben unmittelbar vor der Testung kurz zu zentrifugieren und dann je in **300 µl** sterilem Wasser (PCR-grade) aufzunehmen. Die Proben sollten für 20 min. bei Raumtemperatur in einem Thermoschüttler resuspendiert und/oder mehrfach gut gevortext werden. Anschließend sind 100 µl-Aliquots der Proben wie natives klinisches Probenmaterial mit der in Ihrem Labor angewandten Prozedur für die DNA-Extraktion und dem *P. jirovecii*-PCR/NAT Nachweis zu untersuchen.

#### Testdurchführung und Ergebnisinterpretation

Das Konzept dieses Ringversuchs ist auf die Bestimmung von *P. jirovecii* DNA im Probenmaterial ausgelegt. Da das Probenmaterial auch Proteine, div. Bakterien und menschliche Zellen beinhaltet, ist die Durchführung und Interpretation von optionalen Inhibitionskontrollen, die auf dem Nachweis humaner Gensequenzen (wie z.B. β-Globin) im Untersuchungsgut beruhen, möglich.

Benutzen Sie bitte die in Ihrem Labor routinemäßig angewendeten Methoden und geben Sie alle Informationen an. Primär werden in diesem Ringversuch nur qualitative Angaben abgefragt. Die Ergebnisse bitte anhand der Code-Nummern als "positiv", "negativ/ unterhalb der Nachweisgrenze", "inhibiert" oder "fraglich" angeben.

Die zusätzliche Angabe von quantitativen oder semiquantitativen Ergebnissen (+, +++, etc.) im Kommentarfeld ist für die genaue Analyse der Ringversuche sehr hilfreich und daher, wie alle anderen Kommentare, stets willkommen.

## FUNGAL GENOME DETECTION

### PCR-/NAA *Pneumocystis jirovecii* (RV 560)

Detection of *Pneumocystis jirovecii* DNA by PCR or other procedures for nucleic acid amplification & detection (NAA)

Instructions for testing and  
Code numbers (2 pages)



#### Precautions

The samples in this panel were subjected to inactivation and they are **not** considered hazardous or capable of transmitting infection.

#### Specimen preparation

Samples should be stored at 4°C upon receipt. The closed tubes should be briefly centrifuged to pellet the lyophilized material. Immediately before testing, renature the samples by adding **300 µl** of sterile water (PCR-grade) and incubate at room temperature for 20 min. on an orbital shaker and/or occasional vortexing. When the pellets are completely dissolved, the resulting suspensions should be considered as native clinical specimens and 100 µl aliquots processed as such using typical protocols for DNA extraction and *P. jirovecii* - PCR/NAA established in your routine diagnostic setting.

#### Testing and reporting of results

The concept of this proficiency panel is designed for determination of *P. jirovecii* DNA in the sample material. The sophisticated composition of the sample matrix comprises of proteins, bacteria, and human cells next to the target organisms, thereby allowing for the application of optional inhibition controls targeting human genes (like β-globin, etc.).

Please apply the same methods for DNA extraction and amplification like you are using for the workup of routine clinical samples. Protocol and workflow characteristics should be specified in the Online Form according to the provided code numbers.

Although only reporting of qualitative results is requested, you are free to provide quantitative or semiquantitative data (e.g., +, +++) in the Comments column. The latter information is voluntary, but very helpful for the final evaluation of this proficiency testing program.



## PILZGENOM-NACHWEIS

### CODE-Nummern

PCR-/NAT *Pneumocystis jirovecii* (RV 560)

Die Code Nummern für die Verschlüsselung sind in 7 Gruppen aufgeteilt.

Angaben unter den technischen Kategorien [I,III] bis [V] sowie [VII] erfolgen auf freiwilliger Basis. Sie werden vertraulich behandelt und dienen vor allem zu statistischen Zwecken.

Angaben unter [II und VI] sind verpflichtend.

#### Gruppe [I] (DNA Extraktion)

11: Proteinase K / Zentrifugensäulchen  
12: Kommerzieller DNA Extraktionskit \*\*  
13: Phenol / Chloroform Extraktion      19: Andere \*\*

#### Gruppe [II] (Amplifikation)

20: MycAssay Pneumocystis (Myconostica)  
21: LightMix *Pneumocystis jirovecii* (TIB Molbiol)  
22: RIDAGENE *P. jirovecii* (r-Biopharm)  
23: AmpliGnost *P. jirovecii* PCR Kit  
24: *P. jirovecii* Real TM (Sacace)  
27: Kommerzielles Testsystem / Kit \*\*  
28: *In house* PCR Protokoll

#### Gruppe [III] (Detektion / Identifizierung)

31: Kommerzielles Testsystem (bitte Test nennen)  
32: Agarosegel Elektrophorese  
33: Hybridisierung mit markierten Sonden  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan-Format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA Sequenzierung      39: Andere \*\*

#### Gruppe [IV] (Positiv- u/o Inhibitionskontrollen)

41: Kommerzielles Testsystem (bitte Test nennen)  
42: Interne Kontrolle (rekombinantes Plasmid o.ä.)  
43: Externe Kontrollen (Plasmid,  $\beta$ -Globin Gen, etc.)  
44: Genomische DNA d. entsprechenden Erregers  
48: Andere \*\*      49: Keine Kontrollen durchgeführt

#### Gruppe [V] (Zielsequenz)

51: Kommerzielles Testsystem (bitte Test nennen)  
52: MSG      54: rRNA  
53: DHFR      59: Andere \*\*

#### Gruppe [VI] (Ergebnisse)

61: **Positiv**      63: **Fraglich**  
62: **Negativ**      64: **Inhibition**

\*\* (bitte unter **Bemerkungen** kurz erläutern)

## FUNGAL GENOME DETECTION

### CODE Numbers

PCR-/NAA *Pneumocystis jirovecii* (RV 560)

Code numbers are subdivided into six groups. Although providing technical specifications of the applied assays is highly desired for statistical purposes (individual data will be kept confidential), completing groups [I,III] to [V] is on a voluntary basis.

Completing of group [II and VI] is mandatory.

#### Group [I] (Sample preparation)

11: Proteinase K / spin column  
12: Commercial DNA extraction kit \*\*  
13: Phenol / chloroform extraction      19: Other \*\*

#### Group [II] (Amplification)

20: MycAssay Pneumocystis (Myconostica)  
21: LightMix *Pneumocystis jirovecii* (TIB Molbiol)  
22: RIDAGENE *P. jirovecii* (r-Biopharm)  
23: AmpliGnost *P. jirovecii* PCR Kit  
24: *P. jirovecii* Real TM (Sacace)  
27: Commercial assay system / kit \*\*  
28: *In house* PCR assay

#### Group [III] (Detection / identification)

31: Commercial assay (please specify)  
32: Agarose gel electrophoresis  
33: Hybridization with labelled probe  
34: Nested PCR  
35: Real-Time PCR (TaqMan format)  
36: Real-Time PCR (LightCycler)  
37: DNA sequencing      39: Other \*\*

#### Group [IV] (Positive and/or inhibition controls)

41: Commercial assay (please specify)  
42: Internal control (recombinant plasmid etc.)  
43: External controls (plasmid,  $\beta$ -globin gene, etc.)  
44: Genomic DNA of the corresponding pathogen  
48: Other \*\*      49: No inhibition control applied

#### Group [V] (Target gene)

51: Commercial assay (please specify)  
52: MSG      54: rRNA  
53: DHFR      59: Other \*\*

#### Group [VI] (Results)

61: **Positive**      63: **Questionable**  
62: **Negative**      64: **Inhibition**

\*\* (please specify in the **Comments** section)