

PCR-/NAT Carbapenemasen (RV 544) Mai / Juni 2019



Tabelle 1: Probenzusammensetzung und erwartetes Ergebnis.

Sample composition and expected results.

	<i>Erwartet / expected</i>		<i>Probenzusammensetzung / Sample composition</i>
1915441	+++	61 / 71	<i>K. pneumoniae</i> KPC-3 (~ 1x10 ⁶ genome copies/mL)
1915442	+++	61 / 77	<i>C. freundii</i> GIM-1 (~ 1x10 ⁷ genome copies/mL)
1915443	∅	62	<i>Escherichia coli</i> K12
1915444	+++	61 / 72	<i>S. marcescens</i> VIM-1 (~ 1x10 ⁷ genome copies/mL)

Tabelle 2: Häufigkeit der Mitteilung verschiedener Befunde.

Absolute numbers of reported individual results.

<i>n = 90</i>	<i>Probennummer (Sample no.)</i>				<i>Inhibition</i>				
	<i>1915441</i>	<i>1915442</i>	<i>1915443</i>	<i>1915444</i>	<i>1915441</i>	<i>1915442</i>	<i>1915443</i>	<i>1915444</i>	
<i>Befund Result</i>									
Positiv	87	18	2	89	n.d.	0	0	0	0
Negativ	3	72	88	1	nein no	90	90	90	90
Fraglich Questionable	0	0	0	0	ja yes	0	0	0	0

Tabelle 3: Häufigkeit richtig positiver und richtig negativer NAT-Befunde bei Anwendern verschiedener Methoden.

Absolute numbers and relative frequency of reported true positive and true negative results among various NAT methods.

NAT-Methode [Code] (total number *)	NAT richtig positiv <i>True positive results</i>			NAT richtig negativ <i>True negative results</i>		
	Absolut <i>Absolute</i>	Relativ <i>Relative</i>	%	Absolut <i>Absolute</i>	Relativ <i>Relative</i>	%
Check MDR Carba test [20] (n =1)	2	2 / 3	67	1	1 / 1	100
Check direct CPE oder MDR [21] (n =6)	12	12 / 18	67	6	6 / 6	100
Hyplex Eazyplex [23] (n =5)	9	9 / 15	60	5	5 / 5	100
LightMix (TIB Molbiol) [24] (n =6)	12	12 / 18	67	6	6 / 6	100
GeneXpert CarbaR [25] (n =47)	96	96 / 141	68	46	46 / 47	98
Commercial assay / kit [27] (n =15)	35	35 / 45	78	15	15 / 15	100
In house PCR assay [28] (n = 16)	43	43 / 48	90	15	15 / 16	94
Andere / k.A. / other [29] (n = 1)	3	3 / 3	100	1	1 / 1	100

* Durch Mehrfachnennung oder fehlende Angabe kann die absolute Zahl der Ergebnisse (Tab. 2) von der Anzahl der Teilnehmer abweichen.
 Due to reporting results of multiple assay systems or missing specifications, the effective numbers are not correlating with the number of participants.